

## IDENTIFICAÇÃO DE AMOSTRAS, CARACTERIZAÇÃO MICROBIOLÓGICA E MOLECULAR DE CÂNDIDA EM PACIENTES COM VULVOVAGINITE RECORRENTE

 <https://doi.org/10.22533/at.ed.110112613012>

**SOUZA, A.L.**

Curso de Medicina – UNAERP,

**RONCATO, P.P.,**

Curso de Medicina – UNAERP,

**MONTEIRO, A.R.C.**

Curso de Medicina – UNAERP,

**SILVA, G.M.T.**

Curso de Medicina – UNAERP,

**SALTORATTO, A.L.F.**

Biotecnologia e Pesquisa – UNAERP.

**PALAVRAS-CHAVE:** *Candida albicans*; candidíase vulvovaginal; suscetibilidade genética; antifúngicos; infecções recorrentes.

### INTRODUÇÃO

A candidíase vulvovaginal recorrente (CVVR) representa um problema relevante de saúde pública, acometendo cerca de 138 milhões de mulheres anualmente em todo o mundo, com maior prevalência entre 25 e 34 anos. A infecção é causada predominantemente por *Candida albicans*, sendo caracterizada por prurido vulvar, corrimento e dispareunia. Embora fatores de virulência do fungo, como comutação morfológica e formação de biofilme, sejam bem descritos, a compreensão completa da patogênese e da resposta do hospedeiro ainda apresenta lacunas. A recorrência da infecção, frequentemente associada a mutações genéticas, alterações imunológicas e fatores comportamentais, compromete a qualidade de vida das pacientes, aumenta custos de morbidade e impõe desafios terapêuticos, já que os tratamentos supressivos

nem sempre garantem a cura definitiva. Nesse cenário, torna-se essencial identificar marcadores moleculares e novas alternativas terapêuticas.

## OBJETIVO

Identificar fatores genéticos e características específicas de isolados clínicos de *C. albicans* associados à CVVR, bem como avaliar o potencial de novas moléculas antifúngicas, como curcuminoides, pelo efeito anti-inflamatório e imunomodulador.

## METODOLOGIA

A pesquisa adota um delineamento clínico-experimental, multicêntrico, desenvolvido no Hospital Electro Bonini e na UBS Bonfim Paulista, com duração de 12 meses. Serão coletadas 20 amostras de fluido vaginal de mulheres de 14 a 49 anos com queixa de CVVR, além de controles saudáveis. As amostras serão submetidas a identificação microbiológica e molecular, incluindo PCR para caracterização de isolados de *Candida*. Também serão avaliados dados clínicos, sociodemográficos e comportamentais por meio de questionário. A análise estatística será conduzida com ANOVA, e a sensibilidade dos isolados será testada frente a antifúngicos convencionais, curcuminoides e à citocina GM-CSF.

## RESULTADOS ESPERADOS

Espera-se evidenciar fatores genéticos associados à suscetibilidade, como polimorfismos nos genes CARD9, TLR2 e Dectin-1, além de identificar características específicas de isolados clínicos de *C. albicans*. Também se prevê avaliar o potencial de novas moléculas antifúngicas, como os curcuminoides, em termos de efeito anti-inflamatório e imunomodulador.

## CONCLUSÃO

Prevê-se que os achados contribuam para o desenvolvimento de estratégias diagnósticas capazes de identificar predisposição genética a infecções fúngicas recorrentes, além de indicar alternativas terapêuticas mais eficazes. Dessa forma, o estudo busca oferecer subsídios para intervenções clínicas direcionadas, com impacto positivo sobre a saúde, bem-estar e qualidade de vida das mulheres acometidas por candidíase recorrente.

## FOMENTO

Núcleo de Pesquisa Medicina PIBIC/ UNAERP.

## REFERÊNCIAS:

LIU ZH, XIA XJ, ZHANG Y, ZHONG Y, SANG B, LI QP, WANG M, LV WW, **ZHI HL, WANG XD, GUAN CP, SHEN H.** Favus of Scrotum Due to *Trichophyton rubrum* in Immunocompetent Patients: **A Clinical, Mycological and Ultrastructural Study.** Mycopathologia. 2019 Apr 11. doi: 10.1007/s11046-019-00337-8.

**SOBEL, J. D. (2007).** Vulvovaginal candidosis. Lancet 369, 1961–1971. doi: 10.1016/S0140-6736(07)60917-9.

SU H, LI L, CHENG B, ZHU J, ZHANG Q, XU J, ZHU M..*Trichophyton rubrum* **Infection Characterized by Majocchi's Granuloma and Deeper Dermatophytosis:** Case Report and Review of Published Literature. Mycopathologia. 2017 Jun;182(5-6):549-554. doi: 10.1007/s11046-016-0099-z. Epub 2016 Dec 21.